



18º CONGRESSO BRASILEIRO DE INFECTOLOGIA PEDIÁTRICA

CENTRO DE CONVENÇÕES HOTEL SERRANO . GRAMADO.RS

15 a 18 de Outubro de 2014

Trabalhos Científicos

Título: A Progressão Para Aids Pediátrica Está Associada Ao Polimorfismo Hla-b Rs2523608, Mas Não Ao Trim5 Rs10838525

Autores: LEONARDO TRINDADE NOMINATO (FACULDADE DE MEDICINA DE CAMPOS); THAIS LOUVAIN DE SOUZA (UNIVERSIDADE ESTADUAL DO NORTE FLUMINENSE DARCY RIBEIRO); ENRIQUE MEDINA-ACOSTA (UNIVERSIDADE ESTADUAL DO NORTE FLUMINENSE DARCY RIBEIRO); REGINA CÉLIA DE SOUZA CAMPOS FERNANDES (SAE-DST/AIDS CAMPOS DOS GOYTACAZES. FACULDADE DE MEDICINA DE CAMPOS.)

Resumo: Objetivo: Estimar possíveis associações de risco entre os polimorfismos de único nucleotídeo (SNP) rs2523608(T>C) e rs10838525(G>A) nos genes HLA-B e TRIM5, respectivamente, e a progressão para a Aids em crianças infectadas. Metodologia: Estudo prospectivo de coorte em crianças com infecção confirmada pelo HIV-1 estratificadas em progressoras rápidas (14/61), em que a evolução para Aids iniciou < 1 ano de idade e progressoras lentas (47/61). As crianças são assistidas no Serviço de Atendimento Especializado (SAE) do Programa Municipal de Doenças Sexualmente Transmissíveis e Aids de Campos dos Goytacazes, RJ, com acompanhamento clínico. Para a análise dos parâmetros populacionais relativos aos SNPs, 94 amostras de DNA genômico de mulheres não aparentadas da Região Norte Fluminense foram incluídas. A genotipagem dos SNPs foi por sequenciamento de único nucleotídeo e análise por eletroforese capilar de alta resolução. Os riscos relativos das associações, com intervalo de confiança de 95%, foram estimados pelo teste de Fisher. Resultados: Para o polimorfismo TRIM5 rs10838525(G>A) o alelo rs10838525-G foi mais frequente (0,707). A taxa de heterozigose observada foi 0,479 (HE = 0,414). Esse marcador se encontra em equilíbrio de Hardy-Weinberg ($p = 0.211$). Para o polimorfismo HLA-B rs2523608(T>C) o alelo rs2523608-T foi o mais frequente (0,713). A taxa de heterozigose observada foi 0,234 (HE = 0,409). Esse marcador não se encontra em equilíbrio de Hardy-Weinberg ($p \leq <0.005$). Na coorte de crianças infectadas pelo HIV, o alelo rs10838525-G foi o mais frequente (0,672). A taxa de heterozigose observada foi 0,525 (HE = 0,436). Esse marcador se encontra em equilíbrio de Hardy-Weinberg ($p = 0.1658$). O alelo rs2523608-T foi o mais frequente (0,607). A taxa de heterozigose observada foi 0,230 (HE = 0,477), entretanto esse marcador não se encontra em equilíbrio de Hardy-Weinberg ($p < 0.0001$). A portabilidade do alelo rs2523608-C foi associada à progressão rápida (RR=3.32 IC95% 1.03-10.74; $p = 0.0343$). A homozigose do alelo rs2523608-T foi associada à progressão lenta (RR=1.40 IC95% 1.05-1.86; $p = 0.0311$). Não houve associação entre a os alelos do polimorfismo TRIM5 rs10838525(G>A) com os estratos da progressão. Conclusão: A portabilidade do alelo HLA-B rs2523608-C foi fator de risco para a progressão rápida para a Aids pediátrica. A associação significativa observada entre o alelo HLA-B rs2523608-T com progressão lenta pode ser devida ao desequilíbrio gamético pela ligação genética ao alelo HLA-B*57:03. As frequências encontradas para os SNPs foram similares às relatadas em outras populações de ancestralidades Européia e Africana. Esses dados reforçam a importância da genotipagem de polimorfismos possivelmente modificadores de risco de progressão para Aids pediátrica.